Collagenase/byalurinidase digest at 37°C for ~2 hours

Collect cells/organolds by cf. at 3,000 rpm for 10 min., then take up in HBSS

Normal breast tissue or DCIS

Sequential 500, 250, 100 and 40u filter

20 u filter-take Flow through-stromal cells

Filtrate-organoids

Trypsinize to get single cell suspension

Percoll gradient-take cellular fraction-wash with PBS

CD45 beads

Leukocytes

BerEP4 beads

Epithelial cells

P1H12 beads

Endothelial cells

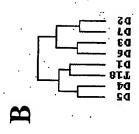
CD10 beads

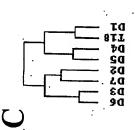
Myoepithelial cells

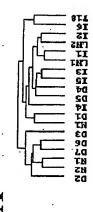
Left over-mix of cell types mostly fibroblasts

٠						PCR primers	•	
		_	HER2	CALLA	CD45	CDHS	BAC	L19
Normal	- PIH12+	(endothelium)			STATE OF THE PARTY			
	CD45,15+	(leukocytes)			The state of the s		1	25 30 35
DCIS/	P1H12+	leukocytes)(endothelium)		*1. *	ing: J			25 30 35
	CD45,15+	)(lenkocytes)(		TO COMPANY	The state of the		Service Services	25 30 35
	CALLA+	(engotnelium)(epitnelium)(myoepitnelium)(l						25 30 35
	BerEP4+	(epitnelium)(r						35 50 SE
DCISO	P1H12+	(engornellum)						2 20 25
	CD45,15+	у (тешкосутеѕ) (		. ;		Sec. 1.	1.00	25 30 35
	CALLA+	nyoepitnenum	重要					15 30 35
	BerEP4+	(chimeinum)(i				10000000000000000000000000000000000000		25 30 35

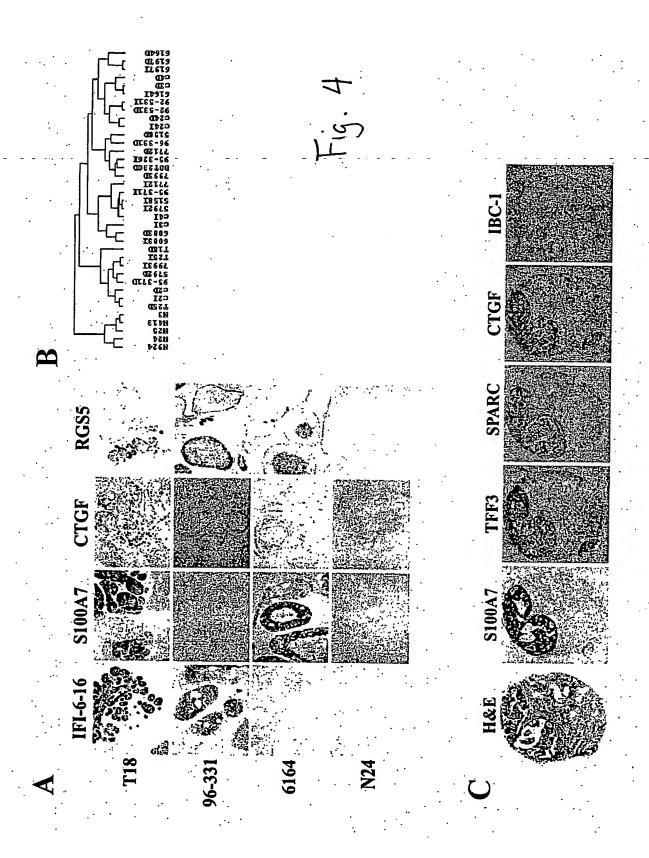
T. 62

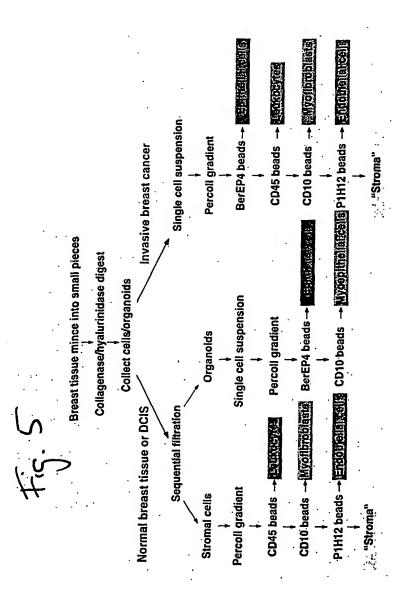












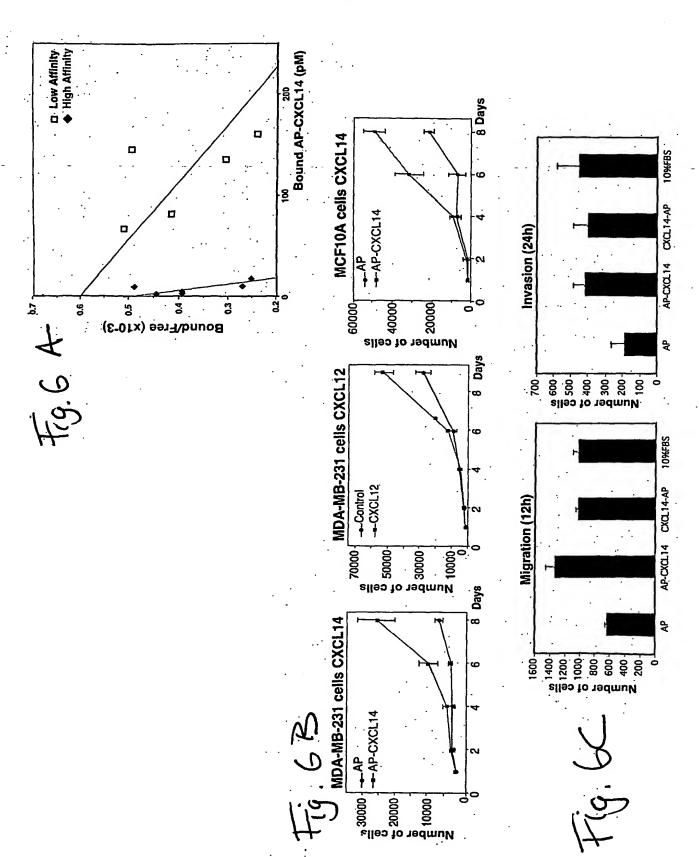


Fig. 7 SAGE tags that are listed in Tables 1-4, 7, 8, 10, and 15 and that correspond to no cDNA nucleotide sequences present in the publicly available databases searched by the inventors

Table 1		•
AGTCAAAAAT	GCAACTTAGA	GGGACGAGTG
(SEQ ID NO:28)	(SEQ ID NO:31)	(SEQ ID NO:32)
Table 2		
AACGCTGCGA	AATGGATGAA	ACATCGTAGT
(SEQ ID NO:145)	(SEQ ID NO:146)	(SEQ ID NO:147)
ACCCGCCGGG	AGTGCAGGGA	ATCAAGAATC
(SEQ ID NO:148)	(SEQ ID NO:149)	(SEQ ID NO:150)
ATGTGGCACA	CAAACCTTTA	CAATGCTGCC
(SEQ ID NO:151)	(SEQ ID NO:152)	(SEQ ID NO:153)
CAGCTTAATT	CCGACGGGCG	CCTTTGAACA
(SEQ ID NO:154)	(SEQ ID NO:155)	(SEQ ID NO:156)
CCTTTGCCCT	CGGTTTAATT	CTTTATTCCA
(SEQ ID NO:157)	(SEQ ID NO:158)	(SEQ ID NO:159)
GAAGTCGGAA	GATCTCGCAA	GCACCTCCTA
(SEQ ID NO:160)	(SEQ ID NO:161)	(SEQ ID NO:162)
GCCGTGAGCA	GGAAAGTGAC	<b>GGACCTTTAT</b>
(SEQ ID NO:163)	(SEQ ID NO:164)	(SEQ ID NO:165)
GGCAGACAAT	GGCAGCACAA	GGTAGCTGCT
(SEQ ID NO:166)	(SEQ ID NO:167)	(SEQ ID NO:168)
GGTAGTTTTA	GGTCAGTCGG	GTAATCCTGC
(SEQ ID NO:169)	(SEQ ID NO:170)	(SEQ ID NO:171)
GTAGTTACTG	TCACAGTGCC	TCTGGTTTGT
(SEQ ID NO:172)	(SEQ ID NO:173)	(SEQ ID NO:174)

Fig. 7A

8/10

TGAAGCAGTA	TGTCATAGTT	TTACGATGAA
(SEQ ID NO:175)	(SEQ ID NO:176)	(SEQ ID NO:177)
TTCGGTTGGT		
(SEQ ID NO:178)		•
Table 3		
TCTAAGTACG	ATTAAGAGGG	CTCCCCAAG
(SEQ ID NO:211)	(SEQ ID NO:216)	(SEQ ID NO:232)
AAGGACCTAG	TAATAAATGC	CGGTTTAATT
(SEQ ID NO:265)	(SEQ ID NO:266)	(SEQ ID NO:268)
GTAGGGGTAA	TGTCATAGTT	TTGTAATCGT
(SEQ ID NO:305)	(SEQ ID NO:321)	(SEQ ID NO:337)
TTTCAGGGGA	CCTTTGCCCT	TTCATACACC
(SEQ ID NO:373)	(SEQ ID NO:383)	(SEQ ID NO:385)
CCCATCGTCC	GGGAAGCAGA	GTAAGTGTAC
(SEQ ID NO:394)	(SEQ ID NO:396)	(SEQ ID NO:399)
GGAATAAATT	AATAGTTGTG	TGGCGTACGG
(SEQ ID NO:404)	(SEQ ID NO:452)	(SEQ ID NO:491)
TGGGGAGAGG	CCGACGGGCG	TGCCTCTGCG
(SEQ ID NO:535)	(SEQ ID NO:547)	(SEQ ID NO:552)
TCTCCATACC	GCCGTTCTTA	ACCCGCCGGG
(SEQ ID NO:570)	(SEQ ID NO:580)	(SEQ ID NO:581)
GGTCAGTCGG	CTAACTAGTT	TTGCGTTGCG
(SEQ ID NO:587)	(SEQ ID NO:588)	(SEQ ID NO:623)
GCTTTCTCAC	ACCCTTGGCC	GCCGGCTCAT
(SEQ ID NO:743)	(SEQ ID NO:766)	(SEQ ID NO:806)
Table 3		
TCCCCGTACA		
(SEQ ID NO:838)	GTAATCCTGC	AGAGGTGTAG
(858:ON (TI MATE)	(SEQ ID NO:913)	(SEQ ID NO:914)

Fig. 7B

TCCCTATTAA	GCAAGCCAAC	AGGTGGCAAG
(SEQ ID NO:919)	(SEQ ID NO:930)	(SEQ ID NO:933)
TTTAACGGCC	CACCTAATTG	GGGACGAGTG
(SEQ ID NO:935)	(SEQ ID NO:972)	(SEQ ID NO:973)
CAAGCATCCC	GCTAGGTTTA	CTCATAAGGA
(SEQ ID NO:974)	(SEQ ID NO:978)	(SEQ ID NO:1002)
CTAAGACTTC	GGGTAGCTGG	TGATTTCACT
(SEQ ID NO:1010)	(SEQ ID NO:1011)	(SEQ ID NO:1019)
ACTAACACCC	CACTACTCAC	
(SEQ ID NO:1027)	(SEQ ID NO:1028)	
Table 4		
CTGGGCGCCC		
(SEQ ID NO:1109)	•	
Table 7		
GTAGGGGTAA	AGCTGTCCCC	CCCGCCTCTT
(SEQ ID NO:1161)	(SEQ ID NO:1171)	(SEQ ID NO:1175)
Table 8		
CCACGGGATT	GTATAAACGT	CAGCACGGAT
(SEQ ID NO:1180)	(SEQ ID NO:1219)	(SEQ ID NO:1256)
GTATTCTCCA	TCCCCGTACA	,
(SEQ ID NO:1500)	(SEQ ID NO:1501)	
Table 10		
TCCCTATTAG	CCCCTATTAA	TCCGTATTAA
(SEQ ID NO:1783)	(SEQ ID NO:1785)	(SEQ ID NO:1821)
TCCCTAGTAA	TCCCTATTAA	,
(SEQ ID NO:1825)	(SEQ ID NO:1830)	

Fig. 7C

Table 15		
TTGCGTTGCG	TCTCCATACC	CCACGGGATT
(SEQ ID NO:1857)	(SEQ ID NO:1858)	(SEQ ID NO:1882)
- GGTCTTCAAG	ATTCCTGAGC	-GCCGTTCTTA
(SEQ ID NO:1883)	(SEQ ID NO:1889)	(SEQ ID NO:1894)
TGAACAGCAG	GAGTTTATTC	
(SEQ ID NO:1895)	(SEQ ID NO:1896)	

Fig. 7D